



INTRODUÇÃO AO PROGRAMA MARK

Dra Maja Kajim; Priscilla Lórá Zangrandi

UFRJ

Ementa

1. Apresentação do programa Autores, história, literatura, site na Internet, fórum

Base teórica

Método de amostragem: captura-marcação-recaptura (CMR)

Introdução à teoria da informação

Teoria de verossimilhança máxima

Distribuição binomial, multinomial

Índice de Akaike (AIC)

2. Primeiros passos no MARK

Adequação aos dados

Formato dos arquivos

História de captura

Matriz de Índice de Parâmetros (PIM)

3. Modelagem e seleção

Hipótese biológica *a priori*

Construção dos modelos

Contagem de parâmetros Comparação entre modelos:

4. Teste de Razão de Verossimilhança (LRT)

5. AIC-peso AIC, Δ AIC, Desviância

Teste de ajuste: estatística de aderência aos dados Correção: fator de inflação de variância Resultado da análise: Estimativa dos parâmetros populacionais Adição de covariáveis Modelos de população aberta *versus* modelos de população fechada

Delineamento Robusto: vantagens da população aberta e da fechada

6. Exemplos de análises variadas nos estudos de caso