



# XIII Congresso de ECOLOGIA

## III International Symposium of Ecology and Evolution

Múltiplas ecologias: evolução e diversidade

08 a 12 de outubro de 2017 • UFV - VIÇOSA | MG

### DETECÇÃO DA VARIABILIDADE GENÉTICA DE *MYRMECOPHAGA TRIDACTYLA* (PILOSA, MYRMECOPHAGIDAE) NO CERRADO PAULISTA

Adriana C. Morales Corrêa e Castro<sup>1</sup>, Ricardo Quiterio Sartori<sup>2</sup>, Rullian César Ribeiro<sup>1</sup>, Lilian Castiglioni<sup>2</sup> e Rita de Cassia Bianchi<sup>1</sup>

1. Departamento de Biologia Aplicada à Agropecuária da Universidade Estadual Paulista, Câmpus de Jaboticabal, FCAV-UNESP, Brasil; 2. Departamento de Epidemiologia e Saúde Coletiva da Faculdade de Medicina de São José do Rio Preto, DESC-FAMERP, Brasil. \*Correspondência para: dri\_morales@fcav.unesp.br

Tema/Meio de apresentação: Evolução/Pôster

O tamanduá-bandeira (*Myrmecophaga tridactyla*), representante da família Myrmecophagidae, é encontrado em todos os biomas brasileiros. Perda de habitat, caça e atropelamentos são as principais ameaças a essa espécie, considerada como vulnerável a nível nacional e internacional. Entender a diversidade genética desta espécie se torna crucial para nortear ações de manejo e conservação destas populações ameaçadas de extinção, principalmente no estado de São Paulo, onde a maioria dos remanescentes de vegetação nativa são insuficientes para manter populações viáveis dessa espécie. O objetivo deste trabalho foi caracterizar geneticamente por meio de seis loci de DNA microssatélite, seis espécimes provenientes da Estação Ecológica de Santa Bárbara (EESB) - remanescente de Cerrado do interior paulista, coletados no período de 10/2014 a 07/2015. Os resultados foram gerados pelo programa TFGA 1.3., e os indivíduos foram agrupados por sexo para as análises genéticas. Realizou-se análises descritivas, de distância genética (D) e de diferenciação populacional (estatística F), visando quantificar a variabilidade destes grupos numa área de preservação ambiental. Todos os loci foram polimórficos, exibindo de três a seis alelos, e todos os indivíduos foram homocigotos para o loci 2 (MtriUSP13), os dois grupos apresentaram uma heterozigosidade observada de 0,444, e todos os loci estão fora do equilíbrio de Hardy-Weinberg. Machos e fêmeas divergiram na composição alélica  $D = 0,1106$ , e mostraram diferenciação ( $F_{st} = 0,0599$ ;  $F_{it} = 0,4251$  e  $F_{is} = 0,4576$ ), entre os grupos, e dentro dos grupos há considerável perda de variabilidade, o que poderia indicar alta taxa de endogamia nesta população, resultados comparáveis para a população de tamanduá-bandeira no Parque de Emas, GO. A EESB serve como um reduto genético para a espécie no estado, sua conservação é importante para o entendimento de como as populações das unidades de conservação estão sofrendo com a fragmentação de habitat e outras adversidades causadas pela intervenção humana.

**Agradecimentos:** Projeto Biota Fapesp de RCB (Processo 2013/18526-9), Capes para RCR e Fapesp para RQS - bolsas de Mestrado.