



# XIII Congresso de ECOLOGIA

## III International Symposium of Ecology and Evolution

Múltiplas ecologias: evolução e diversidade

08 a 12 de outubro de 2017 • UFV - VIÇOSA | MG

### IDENTIFICAÇÃO MOLECULAR DE PEQUENOS MAMÍFEROS NÃO-VOADORES DO PARQUE NACIONAL DA SERRA DA BOCAINA, RJ

Evaldt, B.H.C.<sup>1\*</sup>; Mendonça, G.C.<sup>1</sup>; Loss, A.C.<sup>1</sup>; Delciellos, A.C.<sup>2</sup> & Rocha-Barbosa, O.<sup>3</sup>

1. Departamento de Ciências Biológicas, Universidade Federal do Espírito Santo, Vitória, Brasil; 2. Departamento de Ecologia, Universidade Federal do Rio de Janeiro, Brasil; 3. Departamento de Zoologia, Universidade do Estado do Rio de Janeiro, Brasil. \*hcebruno@gmail.com

Tema/Meio de apresentação: Biogeografia/Pôster

Algumas espécies podem formar complexos de espécies crípticas sendo classificadas como uma única espécie, apesar de representarem linhagens evolutivas independentes, fazendo com que a biodiversidade seja subestimada quando apenas caracteres morfológicos são analisados. Entretanto, técnicas de biologia molecular permitem que espécies sejam diagnosticadas através da análise de DNA. O objetivo deste trabalho foi utilizar sequências de CITB para auxiliar na identificação de pequenos mamíferos não-voadores e contribuir para o banco de dados moleculares representando a diversidade local. Inventários recentes no Parque Nacional da Serra da Bocaina (PNSB), onde o estudo foi realizado, registraram cerca de 20 espécies de pequenos mamíferos entre roedores e marsupiais. Para a identificação molecular, o material genético de amostras de orelha ou do fígado de espécimes coletados no PNSB foram extraídas e amplificadas através da PCR. Foram construídas árvores filogenéticas com as sequências obtidas e sequências de referência, e uma amostra foi considerada como sendo de uma espécie quando era formado um grupo monofilético com as sequências referência e o clado possuía suporte alto. Foram identificadas amostras de 15 espécies: *Bucepattersonius soricinus*, *Drymoreomys albimaculatus*, *Guerlinguetus brasiliensis*, *Euryoryzomys russatus*, *Juliomys ossitenuis*, *Juliomys pictipes*, *Marmosops paulensis*, *Monodelphis iheringi*, *Monodelphis pinocchio*, *Monodelphis scalops*, *Phyllomys nigrispinus*, *Phyllomys sulinus*, *Rhipidomys itoan*, *Sooretamys angouya* e *Thaptomys nigrita*. Dentre essas, somente 4 (*G. brasiliensis*, *E. russatus*, *R. itoan* e *T. nigrita*) já haviam sido registradas no PNSB e as demais são registros inéditos, sendo *D. albimaculatus* e *P. sulinus*, os primeiros registros no estado do RJ. As análises moleculares permitiram a identificação de espécies raras e/ou crípticas, contribuindo para o conhecimento da diversidade do PNSB e reforçando a aplicabilidade da prática de uma sistemática integrativa. As sequências de DNA geradas no presente estudo podem ser utilizadas como referência em trabalhos futuros, especialmente em estudos em que a coleta de exemplares é inviável.

Financiamento: DER-RJ/SEOBRAS/UERJ e CAPES/FAPERJ (ACD), CAPES/FAPES (ACL), CNPq (BHCE, GCM).